

ЗНАЧЕНИЕ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНОВ *CRP*, *SELE*, *OPG* И ИХ РАСТВОРИМЫХ ФОРМ В РАЗВИТИИ МУЛЬТИФОКАЛЬНОГО АТЕРОСКЛЕРОЗА

Хуторная М.В., Синуцкая А.В., Синуцкий М.Ю., Понасенко А.В.

Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Научно-исследовательский институт комплексных проблем сердечно-сосудистых заболеваний», г. Кемерово, Россия.

Целью исследования: определить роль полиморфизма генов эндотелиальной дисфункции, воспалительного ответа и липидного обмена, а также их сывороточных концентраций в развитии МФА у пациентов с ИБС.

Материалы и методы



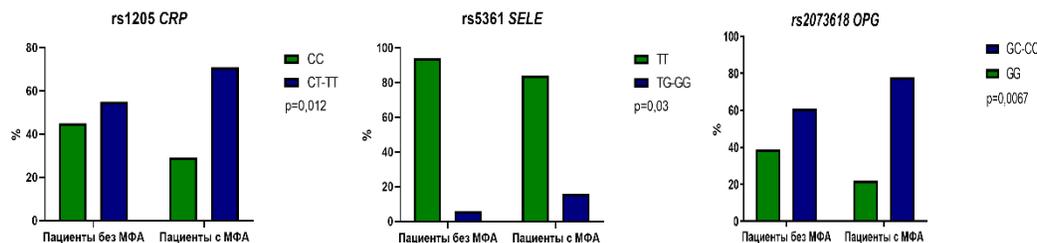
Заключение

Определено, что полиморфные варианты rs1205 гена *CRP*, rs5361 гена *SELE* и rs2073618 гена *OPG*, а также сывороточная концентрация белков *CRP* и *OPG*, вносят вклад в развитие прогрессирующего МФА.

Работа выполнена в рамках фундаментальной темы №0419-2022-0001

Результаты

Обнаружено, что с повышенным риском развития МФА ассоциированы аллель Т rs1205 *CRP* ($p=0,012$), аллель G rs5361 *SELE* ($p=0,03$) и аллель С rs2073618 *OPG* ($p=0,0067$) по доминантной модели наследования. Для полиморфных локусов rs1143634 *IL1B* ($p=0,042$), rs1800588 *LIPC* ($p=0,0037$) и rs662 *PON* ($p=0,026$) определена протективная роль.



При анализе сывороточных концентраций исследуемых маркеров показаны статистически значимые различия для *CRP* ($p=0,0152$) и *OPG* ($p=0,0143$).

